

ACURÁCIA SELETIVA VIA REML/BLUP DE GENÓTIPOS PRECOSES E ERETOS DE FEIJÃO-CAUPI EM DELINEAMENTOS EXPERIMENTAIS DISTINTOS

IX Encontro de Pesquisa e Pós-Graduação

Renata Fernandes de Matos, Ingrid Pinheiro Machado, Fernanda Helena Oliveira da Silva, Tamiris Pereira da Silva, Antônio Moreira Barroso Neto, Julio Cesar do Vale Silva

No melhoramento do feijão-caupi é constante a busca por genótipos superiores. Para fins de avaliação, destacam-se os indivíduos que além de apresentarem altas produtividades atendam as exigências do mercado consumidor. Objetivou-se com esse estudo: (i) verificar a existência de variabilidade genética na população estudada e; (ii) identificar genótipos promissores para compor os ensaios finais de linhagens (EFL). Foram utilizados 119 genótipos de feijão-caupi, com base em um ensaio prévio, tomados em dez progênies F3:4. Para condução do ensaio, adicionou-se a esses genótipos duas testemunhas comerciais, Sempre Verde e BRS-Tumucumaque, totalizando 121 tratamentos. O ensaio foi conduzido no município de Marco-CE. Utilizou-se o delineamento em látice quadrado 11 x 11 com duas repetições, sendo as parcelas formadas por uma fileira de 6m. Foram mensurados os caracteres: número de dias para floração (NDF), número de dias para maturação (NDM), altura de planta (ALT), comprimento de vagem (CPV), número de grãos por vagem (NGV), massa de 100 grãos (M100G) e massa total (MTOT). As análises estatísticas foram realizadas por meio de modelos mistos, usando o procedimento REML/BLUP. Para predição dos ganhos com a seleção, usou-se uma intensidade de seleção de 10%. Os genótipos diferiram para todos os caracteres avaliados, independentemente do delineamento considerado (látice ou blocos casualizados). Os maiores valores de eficiência do látice, em relação a blocos casualizados, foram obtidos para M100G, NGV e CPV. Altas estimativas de acurácia e herdabilidade foram obtidas para os caracteres CPV, NGV, M100G e MTOT, indicando que o processo seletivo tende a ser facilitado para os mesmos. O caráter MTOT apresentou a maior variância genética e as maiores predições de ganhos com a seleção. Os genótipos 5, 7, 14, 15, 25, 27, 31, 42, 47, 57, 85 e 113 apresentaram potencial genético para compor os EFL, devendo estes ser levados a esta etapa.

Palavras-chave: *Vigna unguiculata* (L.) Walp.. Parâmetros genéticos. Ensaios finais de linhagem